

Postadresse und Probenversand:

Heinrich-Düker-Weg 12
37073 Göttingen

Kontakt:

Molekulargenetik Tel.: 0551 / 39-69019 Fax: 0551 / 39-69303

E-Mail: silke.kaulfuss@med.uni-goettingen.de

Vorlage Version: 1.4-1124

Untersuchungsauftrag Molekulargenetik

- Tumorerkrankungen -

Feld bitte frei lassen - Barcode

Patient*in (Patient*innenaufkleber, sofern verfügbar)		
Krankenkasse bzw. Kostenträger		
Name, Vorname Patient*in geb. am		
Kassennr.	Versichertenr.	Status
Betriebsstättenr.	Arzt-Nr.	Datum

Einsender*in
Name Ärztin/Arzt (in Druckbuchstaben) (ggf. Stempel):
Telefonische Nachfragen unter:
Untersuchungsmaterial Bitte Beschriftung mit Namen und Geburtsdatum!
Datum Probenentnahme: _____
EDTA-Monovette (ca. 7,5 ml, bei Kleinkindern: 1-3 ml)
DNA
Sonstiges: _____

Geschlecht: männlich (m) weiblich (w) divers (d) unbestimmt (x)
Schwangerschaft: ja nein
SSW / Letzte Regel am: _____
Eine pränatale Diagnostik ist für einige der aufgeführten Erkrankungen möglich. Telefonische Terminvereinbarung bei Schwangerschaft und pränataler Diagnostik erforderlich!
Ambulant (Überweisungsschein Muster 10) Privat (Kostenvoranschlag unter 0551 / 39 69012 anfordern)

Indikation / Angaben zur Erkrankung / Angaben zur Familie / ggf. Stammbaum:

Insbesondere Angaben zu der Tumorerkrankung beim Indexpatienten und weiteren Tumorerkrankungen in der Verwandtschaft, Alter bei Diagnose

Bitte fügen Sie Kopien der Ihnen vorliegenden Arztbriefe und / oder Befunde dem Untersuchungsauftrag mit bei.

Patient*inneneinwilligung
Eine vollständig ausgefüllte und unterschriebene Einwilligungserklärung liegt dem Untersuchungsauftrag bei (auch als Kopie möglich; Vorlage verfügbar unter: www.humangenetik-umg.de).
Eine vollständige und im Sinne des GenDG gültige Einwilligungserklärung liegt bei uns vor (überschüssiges Probenmaterial nach Abschluss der Untersuchung vernichten? ja nein).

(Datum)

(Name Ärztin/Arzt; in Druckbuchstaben)

(Unterschrift Ärztin/Arzt)

Universitätsmedizin Göttingen
MVZ der UMG Bereich Humangenetik

Postadresse und Probenversand:

Heinrich-Düker-Weg 12
37073 Göttingen

Patient*innenname: _____ Geb.-Dat.: _____

Bitte die gewünschte Untersuchung ankreuzen

Ziel der Untersuchung

Bitte fügen Sie Kopien der molekulargenetischen Befunde bei.

Differentialdiagnostische Untersuchung

Familiäre Mutation bekannt ja ^[1] nein

Mutation: _____
(Gen) (Position)

Prädiktive Diagnostik (nach genetischer Beratung, GenDG, §7 I)

Mutation: _____
(Gen) (Position)

Testung auf Anlageträgerschaft ^[1]
(rezessive Erkrankungen)

Mutation: _____
(Gen) (Position)

Wurde in den letzten 12 Monaten eine Panel-Diagnostik nach EBM 11.4.3 GOP11513 durchgeführt?

ja _____
nein _____ Wo? _____

ID	BRCA1 / BRCA2 -Mutationsanalyse bei Therapierelevanz - FAST TRACK	
HBOC-1	Panel ^[7] (2 Gene): <i>BRCA1</i> , <i>BRCA2</i> metastasiertes, kastrationsresistentes Prostatakarzinom lokal fortgeschrittenes oder metastasiertes Mammakarzinom platin sensitives, fortgeschrittenes oder rezidiertes oder progressives high-grade epitheliales Ovarialkarzinom , Eileiterkarzinom oder primäres Peritonealkarzinom nach mindestens 16-wöchiger platinhaltiger Behandlung in der Erstlinien-Chemotherapie nicht progredientes, metastasiertes Adenokarzinom des Pankreas	*einschließlich MLPA
ID	Familiärer Brust- und Eierstockkrebs (HBOC)	
HBOC-2	Panel ^[4] (13 Gene): <i>BRCA1</i> , <i>BRCA2</i> , <i>ATM</i> [#] , <i>BARD1</i> [#] , <i>BRIP1</i> [#] , <i>CDH1</i> [#] , <i>CHEK2</i> [#] , <i>PALB2</i> [#] , <i>PTEN</i> [#] , <i>RAD51C</i> [#] , <i>RAD51D</i> [#] , <i>STK11</i> [#] , <i>TP53</i> [#] Fast Track [#] MLPA bei auffälliger Copy Number Variation (CNV)-Analyse	*einschließlich MLPA
ID	Lynch-Syndrom / Hereditäres Nicht-Polypöses Kolorektales Karzinom (HNPCC)	
LS-1	Panel ^[5] (Ergebnis MSI u/o IHC): <i>MLH1</i> [*] , <i>PMS2</i> [*]	LS-2 Panel ^[5] (Ergebnis MSI u/o IHC): <i>MSH2</i> [*] , <i>MSH6</i> [*] , <i>EPCAM</i> (nur MLPA)
LS-3	Panel ^[6] (ohne Tumormaterial): <i>MLH1</i> [*] , <i>MSH2</i> [*] , <i>MSH6</i> [*] , <i>PMS2</i> [*] , <i>EPCAM</i> (nur MLPA)	*einschließlich MLPA
ID	Darmkrebs (CRC), unbestimmt	
CRC	Panel ^[2] (26 Gene): <i>APC</i> , <i>BMPR1A</i> , <i>ENG</i> , <i>EPCAM</i> , <i>FAN1</i> , <i>FLCN</i> , <i>GALNT12</i> , <i>GREM1</i> , <i>MLH1</i> , <i>MLH3</i> , <i>MSH2</i> , <i>MSH3</i> , <i>MSH6</i> , <i>MUTYH</i> , <i>NTHL1</i> , <i>PMS1</i> , <i>PMS2</i> , <i>POLD1</i> , <i>POLE</i> , <i>PTEN</i> , <i>RNF43</i> , <i>RPS20</i> , <i>SETD6</i> , <i>SMAD4</i> , <i>STK11</i> , <i>TP53</i>	*einschließlich MLPA
ID	Polyposis-Syndrome	
POP-1	Familiäre adenomatöse Polyposis (FAP) MUTYH-assoziierte Polyposis (MAP) Cowden-Syndrom Peutz-Jeghers-Syndrom Hyperplastisches Polyposis-Syndrom (HPS), Serratiertes Polyposis-Syndrom (SPS) Hereditäres Mixed Polyposis-Syndrom (HMPS) Panel ^[2] (7 Gene): <i>APC</i> , <i>MUTYH</i> , <i>PIK3CA</i> , <i>PTEN</i> , <i>STK11</i> , <i>RNF43</i> , <i>GREM1</i>	*einschließlich MLPA
ID	Juvenile Polyposis	
JP	Panel ^[2] (5 Gene): <i>BMPR1A</i> , <i>ENG</i> , <i>PTEN</i> , <i>SMAD4</i> , <i>STK11</i>	*einschließlich MLPA

Postadresse und Probenversand:

Heinrich-Düker-Weg 12
37073 Göttingen

Patient*innenname: _____ Geb.-Dat.: _____

ID	Polyposis, unbestimmt	
POP-2	Panel ^[2] (17 Gene): <i>APC*, BMPR1A*, ENG*, GREM1*, MLH1*, MSH2*, MSH6*, MSH3, MUTYH*, NTHL1, PMS2*, POLD1, POLE, PTEN*, RNF43, SMAD4*, STK11*</i>	*einschließlich MLPA
ID	Gastrointestinale Stromatumore	
GIST	Panel ^[2] (10 Gene): <i>KIT, MAX*, MEN1*, NF1*, PDGFRA, SDHAF2*, SDHB*, SDHC*, SDHD*, TMEM127</i>	*einschließlich MLPA
ID	Li-Fraumeni-Syndrom	
LiF	Mutationsanalyse ^[2] : <i>TP53*</i>	*einschließlich MLPA
ID	Magenkarzinom	
MCA	Panel ^[2] (13 Gene): <i>ATM*, BMPR1A*, CDH1*, CHEK2*, CTNNA1, EPCAM*, MLH1*, MSH2*, MSH6*, PMS2*, PDGFRA, STK11*, TP53*</i>	*einschließlich MLPA
ID	Malignes Melanom	
MM	Panel ^[2] (4 Gene): <i>CDKN2A*, BAP1, BRCA2*, POT1</i>	*einschließlich MLPA
ID	Nierenzellkarzinom	
RCC	Panel ^[2] (16 Gene): <i>BAP1, DICER1, EPCAM*, FH*, FLCN, MET, PALB2*, PTEN*, SDHA*, SDHAF2*, SDHB*, SDHC*, SDHD*, TSC1*, TSC2*, VHL*</i>	*einschließlich MLPA
ID	Familiäres Pankreaskarzinom	
PANC	Panel ^[2] (21 Gene): <i>APC*, ATM*, BRCA1*, BRCA2*, CDKN2A*, CFTR*, CHEK2*, MLH1*, MSH2*, MSH6*, PALB2*, PALLD, PMS1, PMS2*, PRSS1, PTEN*, RABL3, SPINK1, STK11*, VHL*, TP53*</i>	*einschließlich MLPA
ID	Fanconi-Anämie	
FANC	Panel ^[2] (19 Gene): <i>BRCA1*, BRCA2*, BRIP1*, ERCC4, FANCA*, FANCB, FANCC, FANCD2, FANCE, FANCF, FANCG, FANCI, FANCL, FANCM, PALB2*, RAD51C*, SLX4, UBE2T, XRCC2</i>	*einschließlich MLPA
ID	Phäochromozytome und Paragangliome / Multiple Endokrine Neoplasien	
PCP	Panel ^[2] (14 Gene): <i>CDC73, CDKN1B*, DLST, MAX*, MEN1*, NF1*, RET*, SDHA*, SDHAF2*, SDHB*, SDHC*, SDHD*, TMEM127, VHL*</i>	*einschließlich MLPA
ID	Prostatakarzinom	
PCA	Panel ^[2] (8 Gene): <i>BRCA1*, BRCA2*, CHEK2*, HOXB13, MSR1, PALB2*, RAD51D*, RNASEL</i>	*einschließlich MLPA
ID	Retinoblastom	
RB	Mutationsanalyse ^[2] : <i>RB1*</i>	*einschließlich MLPA
ID	Schilddrüsenkarzinom	
TYC	Panel ^[2] (15 Gene): <i>APC*, ATM*, CDC73, CDKN1B*, CHEK2*, DICER1, MEN1*, MUTYH*, PTEN*, RET*, SDHAF2*, SDHB*, SDHC*, SDHD*, STK11*</i>	*einschließlich MLPA
ID	Von Hippel-Lindau-Syndrom	
VHL1	Mutationsanalyse ^[2] : <i>VHL*</i>	*einschließlich MLPA

Postadresse und Probenversand:

Heinrich-Düker-Weg 12
37073 Göttingen

Patient*innenname: _____ Geb.-Dat.: _____

Multiplex ligation-dependent probe amplification (MLPA) – nur MLPA der Gene, ohne Sequenzanalyse							
<i>APC</i>	<i>ATM</i>	<i>BARD1</i>	<i>BMPR1A</i>	<i>BRCA1</i>	<i>BRCA2</i>	<i>BRIP1</i>	<i>CDKN1B</i>
<i>CDKN2A</i>	<i>CDH1</i>	<i>CFTR</i>	<i>CHEK2</i>	<i>ENG</i>	<i>EPCAM</i>	<i>FANCA</i>	<i>FH</i>
<i>GREM1</i>	<i>KIT</i>	<i>MAX</i>	<i>MEN1</i>	<i>MLH1</i>	<i>MSH2</i>	<i>MSH6</i>	<i>MUTYH</i>
<i>NF1</i>	<i>PALB2</i>	<i>PMS2</i>	<i>PTEN</i>	<i>RAD51C</i>	<i>RAD51D</i>	<i>RB1</i>	<i>RET</i>
<i>SDHAF2</i>	<i>SDHB</i>	<i>SDHC</i>	<i>SDHD</i>	<i>SMAD4</i>	<i>STK11</i>	<i>TP53</i>	<i>TSC1</i>
<i>TSC2</i>	<i>VHL</i>						

Einzelgendiagnostik / Individuelles Panel
Bitte kontaktieren Sie uns, damit wir gemeinsam die von Ihnen gewünschte Einzelgendiagnostik bzw. das individuelle Panel besprechen können.
Kontakt: PD Dr. rer. nat. Silke Kaulfuß, Tel.: 0551 / 39-69019, E-Mail: silke.kaulfuss@med.uni-goettingen.de Maria Kuzyakova, Tel.: 0551 / 39 -69669, E-Mail: maria.kuzyakova@med.uni-goettingen.de

^[1] Untersuchung mittels Sanger-Sequenzierung

^[2] entsprechend EBM Kapitel 11.4.3, GOP 11512 und 11513

^[4] entsprechend EBM Kapitel 11.4.2, GOP 11440

^[5] entsprechend EBM Kapitel 11.4.2, GOP 11431

^[6] entsprechend EBM Kapitel 11.4.2, GOP 11432

^[7] entsprechend EBM Kapitel 11.4.5, GOP 11601